培地経由バイスタンダー効果に対する数理モデルの開発

Numerical Analysis of the Medium-mediated Bystander Effects

佐々木 恒平*	早川 修*	真田 哲也*
奥山 豪*	菊池 明泰*	西本 尚樹*
板東 道夫*	織田 圭一*	北間 正崇*

Kohei Sasaki, Osamu Hayakawa, Tetsuya Sanada, Go Okuyama, Akihiro Kikuchi, Naoki Nishimoto, Michio Bandoh, Keiichi Oda, and Masataka Kitama

Abstract

The radiation-induced bystander effect (RIBE) has been observed for various types of radiation, cell types, and cell culture conditions. However, the behavior of signal transmission between irradiated and bystander cells is not clear. In this study, we have constructed a novel model for RIBE based on the diffusion of soluble factors in cell cultures using a Monte Carlo technique. The model involves the signal emission probability from bystander cells following Poisson statistics. Simulations with this model show that the spatial configuration of the damaged cells agrees well with that of corresponding experiments. Furthermore, it was suggested that sixty hours were needed to the medium-mediated bystander signaling in sparse cell populations.

1. 背景

放射線被ばく効果に関し、最近 20 年の間に多く の研究グループによってこれまでの定説が覆るよ うな報告が出されてきた。それは放射線が細胞核を 通過したと推測される細胞の数よりもはるかに多 くの細胞に,放射線照射と同様の影響が現れるとい うものであった。これは非標的効果(Non-Targeted Effect: NTE),または放射線誘発バイスタンダー効 果(Radiation-Induced Bystander Effect: RIBE)と 呼ばれる現象である(1)。この現象により観測される 生物学的影響は,アポトーシス,細胞死,DNA 二本鎖 切断(DSB),微小核形成,染色体異常,遺伝的不安定 性,突然変異,遅延細胞死,細胞周期停滞,増殖促進 など多岐にわたる(2)。

RIBE のシグナル伝達には、少なくとも2つの経路 があることがわかっている。一つ目は、細胞培養液 (以下,培地とする)を介したシグナルの拡散現象に よる培地経由(Medium-mediated: MM)シグナル伝達 である。二つ目は、隣接細胞間に形成されたギャッ プ 結 合 経 由 (Gap Junction Intercellular Communication: GJIC)シグナル伝達である。伝達さ れるシグナル物質の正体は現在までの研究では明 らかになっていないが、その候補にはインターロイ キン 8(interleukine-8: IL-8)のようなサイトカイ ンや transforming growth factor- β (TGF- β)のよ うな成長因子、活性酸素種(Reactive Oxygen Species: ROS)、カルシウムイオン、一酸化窒素 (Nitric Oxide: NO)、Cox-2や NDPH oxidase などの 酵素が含まれる。このように RIBE には多種多様な シグナル物質が関与するが、そのシグナル伝達は細 胞の種類や細胞密度、生物学的評価点などの生物学 的要素と照射放射線量や放射線種などの物理学的 要素に依存すると考えられる。

多くの研究グループによって *in vitro* 環境の RIBE に対するシミュレーション研究が行われてき た。Khvostunov and Nikjoo は照射細胞からある数 のたんぱく質様シグナル (Protein-like Molecule Signal: PLMS)が放出し,それが熱拡散により非照射 細胞へ伝達する生物物理学的モデル (ByStander Diffusion Modeling: BSDM)を考案した(3)。Ballarini らは,低密度に培養された細胞環境で数個の細胞を マイクロビーム照射したときの RIBE を模擬したモ ンテカルロシミュレーションを行った。このあと, 同グループは RIBE を伝搬するサイトカインのよう

^{*}北海道科学大学保健医療学部診療放射線学科

なシグナルの濃度変化に注目したシミュレーショ ンを行った(4)。この研究では、サイトカインを RIBE におけるシグナル伝達物質として扱い、RIBE を再現 することに成功した。従って、RIBE のシグナル伝達 経路としてのサイトカインのようなたんぱく質に よる培地経由 RIBE の存在は、低密度 *in vitro* 細胞 培養環境におけるシミュレーション研究でも証明 された。

一方で, Shuryak らは解析的に解ける形で RIBE を 説明するモデルを構築した(5)。彼らはこのモデルを, 人工3次元ヒト皮膚システムに対して適応した。こ のシステムは従来使われてきた培養細胞系よりも, 生理学的に *in vivo*環境に近いものである。RIBE に 関わるシグナルが, 0.95~1.00 mm, 0.65~0.70 mm の 範囲でそれぞれ, アポトーシス, 微小核形成の誘導 に関与していることを見いだした。また, この研究 で RIBE を伝搬するシグナル伝達経路には, 少なくと も一つの非常に速くシグナルを伝える経路の存在 を示唆した。



図1 シミュレーションモデル概略

また Xia らは、Khvostunov and Nikjoo と同様の仮 定に基づき、PLMS シグナルの拡散をモンテカルロ 法によりシミュレーションし、RIBE が伝播する範 囲について検討した(6)。Xia らの研究では、初期シ グナル数、シグナルが細胞を損傷する確率(Pdam)と、 損傷した細胞が1個のシグナルを再放出する確率 (Pdam)の3つを変数として用いている。さらにXia らは、シグナル再放出過程を考慮することによっ て、RIBEによる損傷細胞の空間分布を再現した。こ の研究では損傷細胞から再放出するシグナルは1 個に限定しているが、再放出シグナル数は一定で はなく、その再放出は確率的事象として考えるの が自然である。加えて、Xia らのモデルではすべて の変数が任意の値を取り得るため、それらの値を 一意に決定することが難しいという問題もあった。

本研究では RIBE のシグナル伝達およびその動 態について知見を得ることを目的としている。そ こで,バイスタンダー応答を受ける非照射細胞の 時空間分布を明らかにするため、Xiaらのモデルを 改良した Poisson 統計に基づくシグナル再放出モ デルを開発し、Schettinoらの行った軟X線マイク ロビームによる単一細胞照射実験(7)を対象とした 確率的モデルを構築し、計算機シミュレーション を行った。

2. シミュレーションモデル

対象とした Schettino らによる実験(7)は細胞同 士が物理的に接触しないよう低密度で培養してい るため、ここでは照射細胞から放出される可溶性 高分子(PLMS)が熱拡散によって培地中を移動する ことによるシグナル伝達(MM)のみを考慮した。同 実験では、RIBE により損傷を受けた細胞が観察領 域内に集団 (クラスター)を形成していたことが 報告されている。本研究ではこの点に着目して、 シミュレーションに損傷細胞からのシグナル放出 を考慮した、Poisson統計に基づくシグナル再放出 される初期シグナル数と、バイスタンダー応答を 受けた細胞からシグナルを再放出する確率に注目 し、モンテカルロ法によって損傷細胞の空間分布 を推定した。図1にモデルの概略図を示す。

本研究では、照射細胞および損傷細胞が放出し たタンパク質様シグナル(PLMS)が細胞外を移動す ることでRIBEが伝播するという仮説のもとで現象 の説明を試みた。モデルの仮定を以下に説明する。 はじめに,照射細胞から放出されたシグナルは培 養皿に充填した培地中を移動すると仮定する。培 地を充填した際の厚みは,平面方向の拡がりと比 較して3桁以上小さいため,シグナルは二次元の拡 散方程式に従って移動するものとした。ここで,時 刻 *t*におけるシグナルの原点からの変位の二乗の 平均は,以下の式(1)で表される。

 $\langle r^2(t) \rangle = 4Dt \tag{1}$

ここで, Dは拡散係数である。本モデルではシグナ ルを一般的なサイトカインとして計算した。それ らの物質は約 10 kDa の質量を持ち, その質量から 実験的に求めた細胞質中の拡散係数 $D = 10^{-8} nm^2 s^{-1}$ (8)をシミュレーション条件として 使用した。計算時の単位時間は1秒とした。

次に、シミュレーションでの細胞径を一般的な 哺乳類の細胞から 25 μ m と仮定した。シグナルが 非照射細胞の中心から 12.5 μ m に近づくと、図 1 のようにその細胞は確率 P_{PLMS} で"損傷細胞"にな り、そのシグナル物質は消滅するものとした。この とき損傷を受けた細胞は連鎖反応を誘発し、k個の シグナルを確率 P_{re} で生成し、細胞外へ放出するも のと仮定した。本研究ではこの確率 P_{re} は Poisson 統計に従うものとし、 μ を平均再放出シ グナル数とすると、k個のシグナルを再放出する確 率 $P_{re}(\mu,k)$ は、

$$P_{re}(\mu,k) = \frac{\mu^{-k}}{k!}e^{-\mu}$$
 (2)

で表される。図 2 に式 (2) で計算した $\mu = 0.5$ か ら 5.0 までのシグナル再出確率 P_{re} のグラフを示す。 さらに総再放出確率 P_{reT} を以下のように定義する。

 $P_{reT}(\mu) = \sum_{k=1}^{\infty} P_{re}(\mu, k)$ (3) ここで,式(3)では, k = 0はシグナルが再放出しない場合になるため除外した。

全てのシグナルは活性化時間 *Г*。を持ち,生成さ れてから *Г*。経過すると不活性化するものと仮定し, 追跡を終了する。シミュレーションにはモンテカ ルロ法を使用し,259,200 ステップ(実時間換算で 3 日間) すべてのシグナルを追跡した。乱数シード を変更して,上記の手順を統計的に十分な回数で 繰り返し計算した。シミュレーションプログラム コードはFortran90言語で作成し,疑似乱数発生器 には Mersenne Twister を使用した。

シミュレーションで設定した幾何学的条件,モ デル変数を以下に述べる。細胞の位置座標 は, Schettino らの実験結果のを用いた。サイトカ イン固有受容体の存在確率が約 1%であることか ら₍₉₎,細胞損傷確率 P_{PLMS} を 0.01 と仮定した。RIBE を媒介するシグナル物質が60時間以上活性化状態 を保ったという報告₍₁₀₎から, T_a = 60[時間]と仮定 した。照射細胞から t = 0 に放出されるシグナル の数(初期シグナル数 n_i とする)は, n_i = 10,15,20,25,30 の5通りとした。それぞれの n_i に 対し,平均再放出シグナル数(μ)を0.5から5.0ま で変化させ最適な再放出シグナル数を推定した。



図2 シグナル再放出確率(Pre)

3. 結果と考察

3-1. バイスタンダー細胞の空間分布

シミュレーション終了後に記録した損傷細胞分 布の例を図3に示す。半径3mmの円の中心にある ★は照射細胞,●は RIBE によって損傷を受け増殖 能を失った細胞,〇は影響を受けなかった正常細 胞を示す。半径3mmの円は点線によってそれぞれ の幅が0.5mmのドーナツ型領域を形成している。 図のように損傷細胞が観察領域内に均一に分布す る傾向を再現することができた。



図3 シミュレーションによるバイスタンダー細胞の 空間分布の一例



図4 損傷細胞の距離別割合

3-2. 距離別解析

次に,照射細胞からの距離別(ドーナツ型領域ごと)に解析した損傷細胞数の割合を図4に示す。この図はシミュレーション結果を文献より得た実験結果と比較したものである。図4(a)は中心の細胞1個に0.2 Gy 照射,(b)は同様に2 Gy 照射した場合を示す。吸収線量に関する変数は設定していないため,これらは実験に一致するように変数を変化させてシミュレーションを行った結果である。

図4より,シミュレーション結果は誤差の範囲で実 験結果と一致した。しかし,図4(b)を見ると,照射 細胞からの距離が1.5~2.0 mmの領域では1.0~ 1.5 mmよりも約7%の増加がみられるが,シミュレ ーションでは再現できなかった。照射細胞から初 期シグナルを放出すると仮定しているため,通常 は照射細胞から離れるに従って損傷細胞が減少す ると考えられる。しかし,平均再放出シグナル数 (µ)を変えて多数回繰り返した試行により,照射 細胞から離れても損傷細胞の割合は必ずしも単調 減少しなかった。この傾向は,本研究で導入した Poisson 統計に基づくシグナル再放出確率による シグナル伝達の結果であると考えられる。

次に、シミュレーションで得られた中心から *i* 番目のドーナツ型領域(*i* = 1~6)における損傷 細胞の割合の平均を *rsim*(*i*)とし、同様に文献か ら得た割合の平均を *rexp*(*i*)とする。シミュレー ション結果の実験結果に対する一致度を、観察領 域全体(*i* = 1~6)の平均二乗偏差(root mean square deviation: RMSD)で評価した。RMSD は以 下のように計算できる。

RMSD(%) =
$$\sqrt{\frac{\sum_{i=1}^{6} [r_{exp}(i) - r_{sim}(i)]^2}{6}}$$

それぞれの初期シグナル数 (*ni*) と平均再放出シ グナル数 (μ) に対して RMSD を計算した。0.2 Gy, 2 Gy 照射した場合の, 平均再放出シグナル数 (μ) と RMSD (%) の関係を図 5 に示す。初期シグナル数 *ni* = 10, 15, 20, 25, 30 の 5 通りおいて、RMSD は μ =1.0~2.5 で最小値を持つことがわかった。RMSD は実験結果との差異を表すため, この範囲でシミ ュレーションが実験とよく一致していることを表 す。また, 初期シグナル数 (*ni*) が増加するに従 い, RMSD が最小値をもつ平均再放出シグナル数(μ) が減少する傾向があった。

3-3. 損傷細胞数の時間依存性

また、本提案モデルを使用したシミュレーショ ンにより、シグナル伝達時間の推定を試みた。図6 に観察領域内全体における照射後経過時間(*t*)と 損傷細胞の割合の関係を示す。シミュレーション によるシグナル追跡時間は、3日間(4,320分)とし た。図6から、観察領域内全体では3,600分(60時 間)で飽和していることがわかる。次に各ドーナツ 型領域に評価したものを図7に示す。ここで、縦軸



図5 初期シグナル数(ni)と平均再放出シグナル数(µ)を 変えて行ったシミュレーションと実験結果(7)のRMSD(%)

は損傷細胞数を 4,320 分 (3 日間) の値で規格化し た。照射細胞からの距離が 0.0~1.5 mm までの 3 つのドーナツ型領域では、1,440分 (24時間) で損傷 細胞数が飽和した。一方,照射細胞からの距離が 1.5~3.0 mm の 3 つのドーナツ型領域では、2,880 分 (2 日間) を過ぎても増加した。本モデルではシグ ナルの活性化時間を 60 時間 (3,600 分) としている ため、3,600 分付近で損傷細胞数が飽和するが、そ の後の損傷細胞の増加は再放出シグナルによるも のと考えられる。

本研究で対象とした Schettino らの報告を始め とする低密度細胞培養環境での RIBE 実験では, 観 察期間を3日間としているものが散見される。こ れは,3日間程度の十分に長い観察時間を設けない と, RIBE の影響が培養皿全体に行き渡らないため と推察される。よって,本研究で開発したモデルは 密度細胞培養環境におけるRIBE伝達動態をよく再 現するものであることが示唆された。



と損傷細胞の割合の関係

4. まとめ

本研究では Poisson 統計を導入した新たなシミ ュレーションモデルを開発し,低密度培養細胞環 境における放射線誘発バイスタンダー効果(RIBE) に対するシミュレーションを行った。このモデル を用いたモンテカルロシミュレーションの結果 は, Schettino らの行った RIBE 実験と良く一致し た。このシミュレーションにより、RIBE によって損 傷を受けた細胞からのシグナル再放出確率を推定 した。加えて、この提案モデルによるシミュレーシ ョンで RIBE の伝達時間について検討を行い, 培地 経由 RIBE の伝達動態について新たな知見を得た。 シミュレーション結果から、培養皿全体では RIBE による細胞損傷は約60時間で飽和することを示唆 した。また照射細胞からの距離毎にも解析を行 い、RIBE のシグナル伝達時間の距離依存性を明ら かにした。

5. 参考文献

(1) H. Nagasawa and J. B. Little. "Induction of sister chromatid exchanges by extremely low doses of α -particles". Cancer Research, Vol. 52, No. 22, pp. 6394–6396, 1992.

(2) C. Mothersill and C. Seymour.
"Radiation-induced bystander effects: past history and future directions". Radiation Research, Vol. 155, No. 6, pp. 759–767, 2001.

(3) H. Nikjoo and I. K. Khvostunov. "Biophysical model of the radiation-induced bystander effect". International Journal of Radiation Biology, Vol. 79, No. 1, pp. 43–52, 2003.

(4) F. Ballarini, D. Alloni, A. Facoetti, A. Mairani, R.
Nano, and A. Ottolenghi. "Modelling radiation-induced bystander effect and cellular communication". Radiation Protection Dosimetry, Vol. 122, No. 1-4, pp. 244–251, January 2007.

(5) I. Shuryak, R. K. Sachs, and D. J. Brenner. "Biophysical models of radiation bystander

effects: 1. Spatial effects in three-dimensional tissues". Radiation Research, Vol. 168, pp.741–749, 2007.

(6) J. Xia, L. Liu, J. Xue, Y. Wang, and L. Wu. "Modeling of radiation-induced bystander

effect using Monte Carlo methods". Nuclear Inst. and Methods in Physics Research, B,

Vol. 267, No. 6, pp. 1015–1018, 2009.

(7) M. Schettino et al., "Low dose studies of bystander cell killing with targeted soft X rays". Radiation Research, Vol.160, No. 5, pp. 505–511, 2003.

(8) K. Jacobson and J. Wojcieszyn. "The translational mobility of substances within the cytoplasmic matrix". Proceedings of the National Academy of Sciences, Vol. 81, No. 21, pp.6747–6751, 1984.

(9) H. R. Petty. "Molecular biology of membranes". Springer, 1993.

(10) C. Mothersill and C. Seymour. "Medium from irradiated human epithelial cells but not

human fibroblasts reduces the clonogenic survival of unirradiated cells". International Journal of Radiation Biology, Vol. 71, No. 4, pp. 421–427, 1997.